

SEQUENCE LISTING

<110> James A. H. MURRAY
Laurence C. TISI

<120> METHOD FOR DETERMINING THE AMOUNT OF TEMPLATE NUCLEIC ACID PRESENT
IN A SAMPLE

<130> 292-97 / P036460WO

<140> US 10/541,364
<141> 2005-07-06

<150> PCT/GB2004/000127
<151> 2004-01-14

<150> GB 0300802.6
<151> 2003-01-14

<160> 7

<170> MS Word

<210> 1
<211> 235
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> template DNA

<400> 1
catgaattcg tcaagtctac gataacttag cgcttaggat gtcagatact tatgtatgata 60
agctgtataga ctatcttgcc tggaaagctta cttcataatg gatgacgtat gccatgatag 120
ataccattgt ctagacataa gactttcaat ctgcatagtc atgatcgatc catgctcgag 180
tccaaagctag tcatagctta tcatcaactg aatctagtaa gtcattgaat tctag 235

<210> 2
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 2
tatcatggca tacgtcatcc atttttataa gctgatagac tatcttgc 48

<210> 3
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 3

tcaatctgca tagtcatgat cgaaaaatga tgataagcta tgacttagc	48
<210> 4	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> primer	
<400> 4	
tatgaagtaa gcttccag	18
<210> 5	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> primer	
<400> 5	
atccatgctc gagtccaa	18
<210> 6	
<211> 19	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> primer	
<400> 6	
atgtcagata cttatgatg	19
<210> 7	
<211> 19	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> primer	
<400> 7	
aatgacttac tagattcag	19